

บรรณานุกรม

- กิตติมา ด้วงแค. (2551). **ความสัมพันธ์ระหว่างเห็ดกับดินในระบบนิเวศป่าไม้ จังหวัดเพชรบูรณ์.** สำนักวิจัย การอนุรักษ์ป่าไม้และพันธุ์พืชกรมอุทยานแห่งชาติสัตว์ป่า และพันธุ์พืช, กรุงเทพฯ. แหล่งที่มา: [http://www.dnp.go.th/foremic/fmo/](http://www.dnp.go.th/foremic/fmo/WebpageFMO/data/Final) WebpageFMO/data/Final, 1 เมษายน 2558
- เกษม สร้อยทอง. (2537). **เห็ดและราขนาดใหญ่ในประเทศไทย.** ศิริธรรมออฟเซต, อุบลราชธานี. 122 หน้า.
- ชนิดา หันสวาสดี (2554) ความหลากหลายทางชีวภาพ การคัดแยกสารเสริมระบบภูมิคุ้มกัน และการพัฒนาผลิตภัณฑ์สารเสริมอาหาร และอาหารเสริมสุขภาพจากพืช สาหร่ายไลเคนและเห็ด.
- ชฎากัลป์ ชื่นชอบ ศรีนวล ต้นสุวรรณ และชัยพร เจริญพร.(2560).ความหลากหลายของเห็ดป่าและราขนาดใหญ่ บริเวณวัดป่าบ้านทวน บ้านมะค่า ตำบลโพหนอง อำเภอสีดา จังหวัดนครราชสีมา.วารสารเกษตรพระจอมเกล้า. 35 (1): 25-34
- นิวัฒน์ เสนาะเมือง. (2553). **เห็ดป่าเมืองไทย: ความหลากหลายและการใช้ประโยชน์.** หจก. ยูนิเวอร์แซลกราฟิกแอนด์ เทรตติ้ง, กรุงเทพฯ. 424 หน้า.
- พรชัย ปรีชาปัญญา และวารินทร์ จิระสุขทวีกุล. (2545). ภูมิปัญญากะเหรี่ยงเกี่ยวกับความยั่งยืนระบบนิเวศป่าไม้ต้นน้ำและวนเกษตร. วารสารโครงการหลวง. 6(4): 19-26
- ยุวดี อินสำราญ และภาณุวัตร รื่นเรืองฤทธิ์. (2556). **ความหลากหลายชนิด นิเวศวิทยา และเครื่องหมาย พันธุกรรมสำหรับการระบุชนิดของเห็ดกินได้ในพื้นที่จังหวัดมหาสารคาม.** สำนักบริหาร โครงการวิจัยในอุดมศึกษาและพัฒนามหาวิทยาลัยวิจัยแห่งชาติสำนักงานคณะกรรมการการอุดมศึกษา, กรุงเทพฯ
- ยุวดี อินสำราญ เนตรชนก จันทรสว่าง จักรพันธ์ ศรีวงษา ภาณุวัตร รื่นเรืองฤทธิ์ สุทธิรา ชุมกระโทก และสุขกมล เกตุพลทอง. 2559. ความหลากหลาย เครื่องหมายพันธุกรรม และภูมิปัญญาในการใช้ประโยชน์จากเห็ดป่า.สำนักงานพัฒนาเศรษฐกิจจากฐานความหลากหลายชีวภาพ กรุงเทพมหานคร กรุงเทพฯ
- รัชดาภรณ์ เบญจวัฒน์นันทน์ ปิยะดา อีระกุลพิศุทธิ์ และวิชัย พัวรุ่งโรจน์. (2551). **การศึกษาความหลากหลายทางชีวภาพของเห็ดและแนวทางการจำแนกเห็ดมีพิษอย่างบูรณาการ กรณีศึกษา; ตำบลท่าลี่ อำเภอท่าลี่ จังหวัดเลย.** สำนักงานคณะกรรมการวิจัยแห่งชาติ.
- วิสุทธิ ไปไม้. (2557). **ความหลากหลายทางชีวภาพคือชีวิต.** ภาควิชาชีววิทยา คณะวิทยาศาสตร์ มหาวิทยาลัยมหิดล, กรุงเทพฯ

- สุชาติ บุรีรัตน์. (2553).การศึกษาภูมิปัญญาท้องถิ่นในการจัดการป่าชุมชนบ้านหนองหัวคน ตำบล
หนองหมื่นถ่าน อำเภอบางบาล จังหวัดร้อยเอ็ด.วิทยานิพนธ์ ปร.ด. สาขาวิชา
สิ่งแวดล้อมศึกษา. มหาวิทยาลัยมหาสารคาม, มหาสารคาม
- เสาวลักษณ์ พงษ์ไพจิตร เยาวลักษณ์ ดิสรระ วิไลลักษณ์ ริมวังตระกูล และวสันต์ เพชรรัตน์.
(2544). ความหลากหลายทางชีวภาพของเห็ดในป่าลาลา จังหวัดนราธิวาส ใน : รายงาน
ผลการวิจัยด้านความหลากหลายทางชีวภาพในประเทศไทย. จัดพิมพ์โดยโครงการ BRT
เห็ดเป็นอาหารเพื่อสุขภาพตามภูมิปัญญาของหมอพื้นบ้าน. (2554). สำนักการแพทย์พื้นบ้านไทย
กรมพัฒนาการแพทย์แผนไทยและการแพทย์ทางเลือก กระทรวงสาธารณสุข องค์การ
สงเคราะห์ทหารผ่านศึก : กรุงเทพฯ
- อุษา กลิ่นหอม และวินัย กลิ่นหอม. (2550). ความหลากหลายของกลุ่มเห็ดฝั้ในภาคอีสาน.
มูลนิธิรักษ้อีสาน และหน่วยวิจัยความหลากหลายทางชีวภาพและภูมิปัญญาท้องถิ่น.
คณะวิทยาศาสตร์ มหาวิทยาลัยมหาสารคาม: อภิชาตการพิมพ์: มหาสารคาม
- Arora, D. (1986). **Mushroom Demystified a Comprehensive Guide to fleshy
Fungi.** 2nd ed. Tenspeed press: Berkeley.
- Begerow, D., Nilsson, H., Unterseher, M., Maier, W. (2010). Current state and
perspectives of fungal DNA barcoding and rapid identification procedures.
Applied Microbiology and Biotechnology. 87: 99–108.
- Beugelsdijk, VDL, Zuccarello, GC, Den, BHC, Draisma, and Noordeloos ME (2008) A
phylogenetic study of *Boletus* section *Boletus* in Europe. **Persoonia** 20:
doi:10.3767/003158508X283692.
- Beugelsdijk, S. Linde, V.D, Zuccarello, G.C., Bakker, D.H.C., Draisma, S.G.A. and
Noordeloos, M.E. (2008). A phylogenetic study of *Boletus* section
Boletus in Europe. **Persoonia.** 20: 1–7.
- Dai, Y.C. (2007). Systematic revisit of *Sparsitubus* (Basidiomycota,
Aphyllorphorales), an unusual cyphelloid polypore from China. **Fungal
Diversity.** 25: 37– 47.
- Dennis, D., Tim, J., and Rytas, V. (2008). Molecular Phylogeny and Biodiversity of
the Boletes. **Fungi,** 1: 4.
- Dutta, A. K., Paloi S., Pradha, P., Achary, K. (2015). A new species of *Russula*
(Russulaceae) from India based on morphological and
molecular (ITS sequence) data. **Turkish Journal of Botany.** 39: 850-856.

- Fischer, M. and Binder, M. (2004). Species recognition, geographic distribution and host-pathogen relationships: a case study in a group of lignicolous basidiomycetes, *Phellinus* s.l. **Mycologia**, 96: 799-811.
- Georgios, I. Zervakis, Moncalvo, J-M and Vilgalys, R. (2004). Molecular phylogeny, biogeography and speciation of the mushroom species *Pleurotus cystidiosus* and allied taxa. **Microbiology**. 150: 715–726.
- Guarro, J. Gene, J. and Stchigel, A.M. (1999). Development in fungal taxonomy. *Clinical Microbiol. Research*, 12(3) : 454-500.
- Hebert, P.D, Cywinska, A., Ball, S.L. and deWaard, J.R. (2003). Biological identifications through DNA barcodes. **Proceeding of the Royal Society B: Biological sciences**. 270: 313-21.
- Hibbett, D.S. and Thorn, R.G. (2001). **Basidiomycota: Homobasidiomycetes. The Mycota VII Part B. Systematics and Evolution**.
McLaughlin/McLaughlin/Lemke (Eds.) Springer-Verlage, Berlin Heidelberg. 121 -166.
- Hibbett, D.S. and Binder, M. (2002). Evolution of complex fruiting body morphologies in homobasidiomycetes. **Proceedings of the Royal Society of London Series B**. 269: 1963-1969.
- Hughes, KW, Petersen RH. and Lickey EB (2009) Using heterozygosity to estimate a percentage DNA sequence similarity for environmental species' delimitation across basidiomycete fungi. **New Phytologist**. 182: 795–798.
- Jargeat, P., Florent, M., Fabian, C., Herve, G., Moreau, P-A and Monique, G. (2010) Phylogenetic species delimitation in ectomycorrhizal fungi and implications for barcoding: the case of the *Tricholoma sculpturatum* complex (Basidiomycota). **Molecular Ecology**. 19: 5216–5230
doi: 10.1111/j.1365-294X.2010.04863.
- Jeong, M., Jin W., Lim, YW., Lee, JS. and Jung, HS. (2005). Phylogeny of *Phellinus* and Related genera inferred from combined data of ITS and mitochondrial SSU rDNA sequences. **Journal of microbiology and biotechnology**, 15: 1028-38.

- Kirk, P.M., Cannon, P.F., Minger, D.W. and Stalpers, J.A. (2008). **Dictionary of the fungi**. 10thedn. CAB International, Oxon.
- Lian, B., Zang, J-P Hou W-g., Sheng, Y., Donald, L. and Smith. (2008). PCR-based sensitive detection of the edible fungus *Boletus edulis* from rDNA ITS sequences. **Journal of Biotechnology**. 11.
Doi : 10.2225/vol11-issue3-fulltext-4.
- Marco, L., Francesco, P., Andrea, R., Giampaolo, S. and Giovanni, P. (2005). Assessment of inter- and intra-specific variability in the main species of *Boletus edulis* complex by ITS analysis. **FEMS Microbiology Letters**. 243: 411–416.
- Meier, R., Shiyang, K., Vaidya, G., and Ng, PKL. (2006). DNA barcoding and taxonomy in Diptera: a tale of high intraspecific variability and low identification success. **Systematic Biology**. 55: 715–728.
- Mello, A. (2006). ITS primers for the identification of marketable boletes. **Journal of Biotechnology**. 121: 318-329
- Monchai, M., Thanwalee, S-N, Nantakorn, B., Sureelak, R. and Neung, T. (2005). Phylogenetic Diversity of Wild Edible *Russula* from Northeastern Thailand on the Basis of Internal Transcribed Spacer Sequence. **Science Asia**. 31: 323-328. doi: 10.2306/scienceasia1513-1874.2005.31.323.
- Nilsson, R.H., Kristiansson, E., Ryberg, M., Hallenberg, N., and Larsson, K-H. (2008). Intraspecific ITS Variability in the Kingdom Fungi as Expressed in the International Sequence Databases and Its Implications for Molecular Species Identification. **Evolutionary Bioinformatics**. 4: 193–201.
- Oberwinkler, F. (1985). Anmerkungen zur Evolution und Systematik der Basidiomyceten. **Botanische Jahrbücher für Systematik**. 107: 541–580.
- Park, M.S., Fong, J. J. , Lee, H. , Oh S-Y, Jung, P.E. , Min, Y. J., Soon, S.J. and Lim, Y. (2013). Delimitation of *Russula* Subgenus *Amoenula* in Korea Using Three Molecular Markers. **The Korean Society of Mycology**. 41(4): 191-201.
<http://dx.doi.org/10.5941/MYCO.2013.41.4.191>.
- Peck, CH. (1906) New York species of *Russula*. Report of the State Botanist. New York State Museum Bulletin. 116: 67-117.

- Persoon, CH. (1976) **Observationes Mycologicae**. Wolf, Leipzig.
- Pujol, C., Dodgson, A., Soll, D. (2005). Population genetics of ascomycetes pathogenic to humans and animals. In: Xu J, editor. *Evolutionary Genetics of Fungi*. UK: Horizon Scientific Press. 149–188.
- Raper, C.A. (1976). Sexuality and life cycle of the edible, with *Agaricus bitorquis*. **Genetic Microbiology**. 95: 54-66.
- Richardson, M.J. (1970). Studies of *Russula emetica* and other agarics in a Scots pine plantation. **Transactions of the British Mycological Society**. 55: 217-229.
- Ro, H-S, Kim, S.S., Ryu, J.S., Jeon, C-O, Lee, T.S. and Lee, H-S. (2007). Comparative studies on the diversity of the edible mushroom *Pleurotus eryngii*: ITS sequence analysis, RAPD fingerprinting, and physiological characteristics. **Mycological research**. 710 –715.
- Ryvarden, L. and Johansen, I. (1980). **A preliminary polypore flora of East Africa**. Fungiflora, oslo : Norway.
- Sambrook, J., Fritsch, E. F., and Maniatis, T. (1989). **Molecular Cloning: A Laboratory Manual**, 2nd ed., Plainview, New York: Cold Spring Harbor Laboratory Press.
- Sha, T., Xu, J., Palanichamy, MG., Zhang, HB., Li, T. (2008) Genetic diversity of the endemic gourmet mushroom *Thelephora ganbajun* from southwestern China. **Microbiology-SGM**. 154: 3460–3468.
- Singer, R. (1986). **The Agaricales in Modern Taxonomy**. Koeltz Scientific Books Koenigstein.
- Sitta, N. and Floriani, M. (2008). Nationalization and globalization trends in the wild mushroom commerce of Italy with emphasis on porcini (*Boletus edulis* and allied species). **Economic Botany**. 62: 307-322.
- Stockinger, H., Kruger, M. and Schussler, A. (2010). DNA barcoding of arbuscular mycorrhizal fungi. **New Phytol**. 187: 461-474.
- Sun, Y-X, Liu, JC., Yang, X-D and Kennedy, JF. (2010) Purification, structural analysis and hydroxyl radical-scavenging capacity of a polysaccharide from the fruiting bodies of *Russula virescens*. **Process Biochemistry**. 45: 874–879.

- Tamura, K. Stecher, G., Peterson, D., Filipiński, A. and Kumar, S. (2013). MEGA6: Molecular Evolutionary Genetics Analysis Version 6.0. **Molecular Biology and Evolution**. 30: 2725-2729.
- Taylor, JW, Jacobson, D.J, Kroken, S, Kasuga, T. and Geiser, DM. (2000) Phylogenetic species recognition and species concepts in fungi. **Fungal Genetics and Biology**. 31: 21–32.
- Thompson, JD., Gipson, TJ., Plewamak, F., Jeanmougin, F. and Higgins, GD., (1997). The CLUSTAL X windows interface: flexible strategies for multiple sequence alignment aided by quality analysis tools. **Nucleic Acids Research**. 25(24): 4876 – 4882.
- Tomsovsky, M. and Jankovsky, L. (2007). DNA sequence analysis of extra ordinary fruiting specimens of *Fuscoporia torulosa* (*Phellinus torulosus*) on *Pyrus* spp. **Czech Mycology**. 59(1): 91–99.
- Vilgalys, R., J.S. Hopple, Jr., and Hibbett, D.S. (1994). Phylogenetic implications of generic concepts in fungal taxonomy: The impact of molecular systematic studies. **Mycologica Helvetica**. 6: 73-91.
- Weising, K., Nybom, H., Wolff, K. and Meyer, W. (1995). **DNA fingerprinting in Plants and fungi**. CRC Press, Queensland.
- White, T.J., Bruns, T., Lee, S. and Taylor, J. (1990). **Amplification and direct sequencing of fungal ribosomal RNA genes for phylogenetics**. In PCR protocols. A guide to Methods and Applications (ed. Innes, M.A., Gelfand, D.H., Sninsky, J.J. & White T.J.), pp. 315-322. Academic Press, California.
- Xu, J., Cheng, M., Tan, Q., Pan, Y. (2005). Molecular population genetics of basidiomycete fungi. In: Xu J, editor. *Evolutionary Genetics of Fungi*. UK: Horizon Scientific Press. 189–220 p.
- Yang, C., Ying, Z., Zefen, Y., Fei, M., Chunli, L., Xiaozhao, T., Yunxian, L., Xiaoxia, H., Pengfei, W. and Jianping, X. (2013). Structure, Gene Flow, and Recombination among Geographic Populations of a *Russula virescens* Ally from Southwestern China. **PLoS ONE**. 8(9): e73174. doi:10.1371/journal.pone.0073174.

Zhao, P., Jing, L. and Zhuang, W-Y. (2011). Practice towards DNA barcoding of the nectriaceous fungi. **Fungal Diversity**. 46: 183–191.

Doi [10.1007/s13225-010-0064-y](https://doi.org/10.1007/s13225-010-0064-y).